2 x Sybr Green qPCR Mix (High ROX)



北京艾德莱生物科技有限公司

Aidlab Biotechnologies Co., Ltd

地 址:北京市海淀区上地紫成创业园 C126--130

电 话: 010-82796972/82795296 (Fax)

网 址: www.aidlab.cn 技术 QQ: 328153626

使用说明书

包装量:

目录编号	包装单位	
PC6101	50次	
PC6102	200次	

组成	PC6101	PC6102
2 x SYBR qPCR Mix (High ROX PreMixed)	1.25 ml	1.25 ml x 4

产品组成、储存、浓度:

储存: -20 ℃ 避光保存至少 12 个月,使用前充分融解混匀。短期使用可放在 4 ℃,避免反复冻融。

制品说明:本制品本制品是采用 SYBR® Green I 嵌合荧光法进行 Real Time PCR 的专用试剂。已经将热启动 HotMaster Taq DNA 聚合酶、dNTP、特殊稳定剂、优化的反应缓冲液、BSA 和 SYBR® Green I 等试剂预混成一种适合 Real Time PCR 反应检测用 2×Premix Type 试剂,具有灵敏度高、特异性强、稳定性好等特点。使用时只需加入模板和引物和水,便可在宽广的定量区域内得到良好的标准曲线,对目的基因进行准确定量检测,重复性好,可信度高。本品采用全新的 Hotmaster Taq DNA聚合酶,该酶不同于一般 Hot-start 酶之处在于,一般的 Hot-start 酶只在第一步温度升高之前封闭酶的活性,而 Hotmaster Taq DNA聚合酶是利用抑制剂通过温度调节方式封闭 Hotmaster Taq DNA聚合酶的底物结合位点,温度低于40℃时,形成非活性的酶-抑制剂复合物,当温度升高至引物特异性的退火温度时,结合平衡向模板-特异性引物复合物形成方向移动,因此最大限度的减少 PCR 扩增全程中的非特异性扩增产物产生,大大提高了荧光定量 PCR 反应的精确性。

注意事项:

- 1. 本制品已加入高浓度的ROX参比染料,适用于ABI PRISM 7000/7300/7700/7900HT and 7900HT Fast, ABI Step One, ABI Step One Plus以及其它需要高浓度ROX机型。用于消除信号本底以及校正孔与孔之间产生的荧光信号误差。
- 2. 本制品含SYBR® Green I 强光下易分解,降低敏感度,使用时避免长时间强光照射本制品。
- 3. 建议在冰上配制PCR反应液,再放入PCR仪器中扩增。可以提高扩增特异性,减少背景。
- 4. 本制品含有4 mM MgCl₂(反应体系终浓度是2 mM Mg²⁺),可用25mM MgCl₂ 优化Mg²⁺浓度。

建议PCR条件(以25,50 山反应体系为例,反应液配制请在冰上进行)

Components	Volume (25 µl)	Volume (50 μl)	Final Concentration
2 x SYBR qPCR Mix(High ROX)	12.5µl	25 μl	1×
DNA Template	1 μ1	2 μl	as required
Forward Primer (10 μM)	0.5 μl	1 μl	0.2 μM each
Reverse Primer (10 μM)	0.5 μl	1 μl	0.2 μM each
ddH2O to final volume	25 μΙ	50 μl	Not applicable

PCR 循环 (三步法) 94℃ 2-3 min 94℃ 5-10 sec 60℃ 30-34 sec Dissociation Stage PCR 循环 (三步法) 94℃ 2-3 min 94℃ 10-20 sec 55-60℃ 10-20 sec 72℃ 20-30 sec Dissociation Stage

说明:本制品兼容性强,适用于不同厂家、型号的荧光定量PCR仪,绝大多数情况下使用二步法和三步法均可获得良好效果。在实际使用中可以根据机型推荐和具体情况对程序加以微调。一般来说,二步法扩增特异性高,三步法扩增效率高。如果融链曲线较差,可以尝试两步法扩增,若因使用Tm值较低的引物等原因,得不到良好的实验结果时,可尝试加长延伸时间或者进行三步法PCR扩增。

荧光定量 PCR 实验常见问题和解决方案

Q1: 无信号值出现

A1:

- 1. 反应循环数不够。一般都要在 35 个循环以上,可根据实验情况增加循环(如至 45cycles),但高于 45 个循环会增加过多的背景信号。
- 2. 检测荧光信号的步骤有误。一般 SG 法采用 72℃延伸时采集,Taqman 法则一般在退火结束时或延伸结束采集信号。
- 3. 引物或探针降解。可通过 PAGE 电泳检测其完整性。
- 4. 引物或探针的设计,如探针高于引物的温度不够,造成探针未杂交上而产物已延伸的情况。
- 5. 模板量不足。对未知浓度的样品应从系列稀释样本的最高浓度做起。
- 6. 模板降解。避免样品制备中杂质的引入及反复冻融的情况。

O2: CT 值出现过晚

A2:

- 1. 扩增效率低,反应条件不够优化。设计更好的引物或探针;用三步法进行反应;适当降低退火温度;增加镁离子浓度等。
- 2. PCR 各种反应成分的降解或加样量的不足。
- 3. PCR 产物太长。一般采用 100-150bp 的产物长度,一般不超过 500bp。

Q3: 标准曲线的线性关系不佳

A3:

- 1. 加样存在误差,使得标准品不呈梯度。
- 2. 标准品出现降解。应避免标准品反复冻融,或重新制备并稀释标准品。
- 3. 引物或探针不佳。重新设计更好的引物和探针。
- 4. 模板中存在抑制物,或模板浓度过高。

Q4: 阴性对照也出现明显扩增

A4:

- 1. 反应体系或者水被污染: 更换新的 Mix 或者水重复试验。反应体系在超净工作台内配制,减少气溶胶污染。
- 2. 引物二聚体的出现:一般在35循环以后阴性对照出现扩增属正常情况,可配合融解曲线进行分析。